# **Research Paper**





Effect of a Combined Exercise Program on the Expression of ABCA5 Gene in White Blood Cells of Middle-aged Men After Coronary Artery Bypass Graft Surgery

Mahboube Sazegar<sup>1</sup> , \*Amir Rashid Lamir<sup>2</sup> , Rambod Khajei<sup>1</sup> , Ameneh Barjeste Yazdi<sup>1</sup>

- 1. Department of Physical Education, Faculty of Physical Education, Neyshabour Branch, Islamic Azad University, Neyshabur, Iran.
- 2. Department of Exercise Physiology, Faculty of Sport Sciences, Ferdowsi University of Mashhad, Mashhad, Iran.



Citation Sazegar M, Rashid Lamir A, Khajei R, Barjeste Yazdi A. [The Effect of a Combined Training Course on the Expression of ABCA5 Gene of White Blood Cells in Middle-aged Men After Cardiac Bypass Surgery (Persian)]. Internal Medicine Today. 2022; 28(1):86-97. https://doi.org/10.32598/hms.28.1.3602.1



**ABSTRACT** 



Received: 12 Apr 2021 Accepted: 09 Jun 2021 Available Online: 01 Jan 2022

Aims Cardiovascular diseases are the most prevalent diseases and one of the leading causes of death in the world. The present study aims to evaluate the effect of a combined exercise program on expression of ATP-Binding Cassette Transporter A5 (ABCA5) in middle-aged men after Coronary Artery Bypass Graft (CABG) surgery.

Methods & Materials In this quasi-experimental study, 26 middle-aged men participated who had underwent CABG surgery and were randomly divided into two groups of exercise and control. The combined exercise program included resistance and aerobic exercises for eight weeks (three sessions per week). During this period, the control group had no physical activity. Fasting blood samples were taken for 10-12 hours in two stages before and 48 hours after the study and anthropometric characteristics were also recorded. Dependent t-test was used to examine intra-group differences and independent t-test was used to examine extra-group changes. The analyses were conducted in SPSS software v. 21, considering a significance level of P<0.05.

Findings The results showed no significant difference in the ABCA5 gene expression between the two groups at baseline, but after eight weeks of combined exercises, its expression increased significantly compared to pretest scores (P=0.001). A significant difference was observed between the two group (P=0.001).

Conclusion It seems that the combined exercise program can reduce cholesterol levels by increasing the expression of ABCA5 gene, leading to an increase in endothelial cell health-related factors. It can be used as an appropriate exercise program to improve physiological status in patients with CABG.

#### **Keywords:**

Combined exercises, ABCA5, Coronary artery bypass graft

#### **Extended Abstract**

### Introduction



y increase of mechanized life and reduction in mobility, there has been an increase in some diseases such as Cardiovascular Diseases (CVDs), which is directly related to inactivity and poor

nutrition (use of unhealthy foods). Major CVDs include atherosclerosis and its complications [1]. Atherosclerosis is the inflammation of coronary arteries, and occurs due to the accumulation of macrophage foam cells and the inability to remove the excess of cholesterol. Macrophage foam cells are enlarged cells in the artery wall consisting of macrophages rich in Low Density Lipoproteins (LDL), and are the cause of vascular occlusion. increase of cholestrol can jeopardize cell function, although it is

### \* Corresponding Author:

Amir Rashid Lamir, PhD.

Address: Department of Exercise Physiology, Faculty of Sport Science, Ferdowsi University of Mashhad, Mashhad, Iran.

Tel: +98 (51) 3880350

E-mail: amir.rashidlamir@gmail.com

useful for continuity of some vital cell processes. When the level of cell cholesterol exceeds compared to phospholipids in the membrane or the cholesterol is converted to cholesterol ester, the excess of cholesterol inside the cell causes toxicity and destroys the endothelial cells [2]. In other words, Reverse Cholesterol Transport (RCT) is an anti-atherosclerotic process when excess cholesterol is removed from surrounding tissues, including arterial wall macrophages, and is returned back to the liver by the formation of High Density Lipoproteins (HDL) [3]. Regulation of the genes from ATP-Binding Cassette (ABC) family by the Liver X Receptor (LXR) is one of the important components of RCT. There are 49 different genes encoding ABC transporters in humans. All ABC genes are divided into seven subfamilies named ABCA-ABCG according to the Cytochrome p450 enzyme gene (CYP) nomenclature system. In vascular diseases like atherosclerosis, factors such as ABC transporters play a significant role due to involvement in cholesterol homeostasis, blood pressure regulation, endothelial function, vascular inflammation, and platelet production and accumulation. ABCC9, ABCC6, ABCC1, ABCB6, ABCG4, ABCG1 are among ABC transporters that directly or indirectly affect cellular cholesterol excretion, inflammatory response in macrophages, megakaryocyte proliferation and thrombus formation, which may affect vascular function and blood pressure and play a role in CVDs and their complications.

Studies have indicated that exercise increases the expression of some families of ABC genes including ABCA1, ABCG5, ABCG4, ABCG1, ABCG5 /8 and ABCA5 [4-8] and, thus, improves some key steps in the RCT process like the increase and synthesis of HDL and the increase of cholesterol transport out of the cell. Therefore, exercise is important for cardiovascular rehabilitation and reduces cardiovascular complications and mortality from CVDs. Ray et al. reported that the increased ABCA5 gene expression in patients with dyslipidemia decreased cholesterol levels [9]. Ye et al. reported that the ABCA5 knockout was associated with an increase in LDL level [10]. Although, studies have reported that the ABCA5 is involved in the removal of fat from cells, its role as a transporter is unclear for atherosclerosis [9]. Many studies are needed to determine the role of ABCA5 in high cholesterol-related diseases such as CVDs. Few studies have been conducted on the rehabilitation phase of CVD patients and the hybrid effects on ABCA5 gene expression. This study aims to answer the question that whether eight weeks of combined exercises affect the expression of ABCA5 gene of white blood cells in middle-aged men after Coronary Artery Bypass Graft (CABG) surgery.

### **Materials and Methods**

This is a quasi-experimental study with a pre-test/post-test design. The statistical population consists of all male patients aged 50-65 years referred to Javad Al-Aemeh Cardiovascular Hospital in Mashhad, Iran. The sample size was determined according to previous studies and patient availability. In this regard, 26 men who underwent CABG surgery were selected using a convenience sampling method and according to the inclusion criteria (no cognitive, vision and hearing problems, no blood pressure level higher than 160 mmHg, and diastolic above 100 mmHg, no drug use, no use of assistive devices such as walkers). They were randomly divided into exercise and control groups. Exclusion criteria were: Absence from more than three consecutive sessions and four non-consecutive sessions, unwillingness to continue participation, injury or clinical symptoms, participation in other sports activities simultaneously, and not allowed for attending the study according to the physician. Anthropometric variables include age (year), height (cm) measured by a digital scale (SEKA, Germany) with an accuracy of 0.1 Kg, body fat percentage, and body mass index (kg/m<sup>2</sup>) measured by a digital scale (Inbody720, South Korea), heart rate (per minute) measured by a heart rate monitor (F1tm Polar, Finland), blood pressure, measure by a blood pressure monitor (ALPK2-500, Japan), as well as training times measured by a digital timer with an accuracy of 0.01 seconds.

Before starting the combined exercises, 5 cc of blood sampling was collected from brachial vein at the beginning and after 10-12 hours of fasting (between 8 and 9 a.m) and put in experimental tubes containing ethylenediamine tetraacetic acid as an anticoagulant. Lymphocytes were isolated at this stage. Real-time Polymerase Chain Reaction (PCR) method was used to evaluate the expression of ABCA5 gene. Subjects then participated in a combined exercise programs for eight weeks. After eight weeks, blood sampling was done again during fasting and the changes were re-evaluated. Blood sampling time in the pre-test phase was 24 hours before the start of the first exercise session, while in the post-test stage, it was 48 hours after the end of the last exercise session (to prevent the acute effect of exercise on study variables).

### **Combined exercise program**

Patients in the exercise group performed combined exercises (aerobic and resistance exercises) at in the rehabilitation ward of Javad Al-Aemeh Hospital at 24 sessions, three days a week, as well cardiac rehabilitation at each session according to the assessment results (cardiopulmonary status, exercise tolerance, etc.) for 1-1.5 hour. In each exercise session, stretching exercises were performed to warm up and

Table 1. Oligonucleotide sequences of primers

Gene	Туре	Sequence of Primers		
ABCA5	Forth	F. ACCCAAAGCAAGGAACGGGAA		
	Back	R. CAGCGTTCAGCATGCCTGTGT		

Internal Medicine Todau

there was a time for cooling down at the end of session. The exercises included: walking on a treadmill (20-30 minutes), riding a stationary bike (10-12 minutes), and using cycle ergometer (10 minutes). All patients in the exercise group performed the above exercises during each rehabilitation session. The intensity and duration of exercises gradually increased based on the ability of individuals. In the last 7-10 sessions, the intensity reached 80% of their maximum Heart Rate (HR). Before and after aerobic exercise and once during cooling down, the HR was measured and then the target HR was calculated using the Karvonen formula:

Resting  $HR+[(55, 75\%)\times(Resting\ HR-maximum\ HR)]=Target\ HR$ 

Each week, the target HR increased approximately by 5% through increasing the intensity of exercise. The resistance exercise was performed at 8 repetitions in the initial sessions and increased to 15 repetitions in the next sessions in three sets. The movements included: squat with a physio ball, shoulder flexion, hip flexion, shoulder abduction, hip abduction, elbow flexion, ankle plantar and ankle dorsiflexion. The movements were initially performed using a weak thera band at 8 repetitions and by adding two more repetitions in each session, the number of repetitions increased to 15. Then, the resistance of thera band increased where the movements initially performed at 8 repetitions and gradually increased to 15 repetitions in subsequent sessions. There was no specific arrangement for aerobic and resistance exercises; patients performed resistance exercises during an interval between aerobic exercises or separately after aerobic exercises. At the end of each session, for cooling down, stretching movements were performed for 5-10 minutes and relaxation movements for 5-10 minutes. Fluctuations in the patient's HR during exercises were controlled by a monitoring system, the researcher and a cardiologist. Blood pressure was measured and recorded by the rehabilitation nurses after using each device. The control group did not participate in postoperative combined exercises and had no regular physical activity.

### Measurement of gene expression

For mRNA purification, peripheral blood mononuclear cells were immersed in liquid nitrogen and completely shredded by mortar & pestle. To obtain mRNA, degraded tissue was homogenized in RLT buffer and then tissue powder and liquid nitrogen were poured into a 2-mL Rnase-free microcentrifuge tube. The liquid nitrogen was let to be evaporated, but not let the lymphocytes got out of the frozen state. RLT buffer was added sufficiently. Lysate was transferred directly into a QIAshredder column placed in the tube and centrifuged at high speed for two minutes. For cDNA synthesis, 200 ng mRNA was evaluated using oligo dT primer and a special kit. Real-time PCR method was used to assess the gene expression. Finally, after obtaining the results using a UV-single device and obtaining beta-actin values for each sample, the obtained numbers were divided by the beta-actin values for each sample and then multiplied by 100 to mRNA values related to gene expression for each sample to be obtained by percentage (Table 2). The PCR was performed us-

**Table 2.** Thermal cycling protocol of real-time PCR

Steps	Time	Temperature
Initial stage of PCR	5 min	95°C
Denaturation	10 sec	95℃
45 cycles, annealing/extension	30 sec	60°C
Melting	6.5 min	55-95℃

Internal Medicine Today

**Table 3.** Anthropometric characteristics of the participants

Groups		Mea	n±SD	
	Age (Y)	Height (cm)	Weight (kg)	BMI (kg/m²)
Control	58.08±3.60	1.73±0.03	76.16±5.23	2.33±1.33
Exercise	55.57±3.61	1.72±0.03	74.13±6.44	25±2.23

BMI= Body mass index

Internal Medicine Today

ing BIO RAD (C1000<sup>TM</sup> Thermal Cycler) in 96-well plates. Table 3 presents the thermal cycle of PCR. The Pfaffl method was used to measure the copy number of target and reference genes.

# Statistical analysis

Descriptive statistics including mean and Standard Deviation (SD) were used to describe data. The normality of data distribution was examined using Shapiro-Wilk test, and parametric paired sample t-test was used for data analysis in SPSS v.21 software at a significance level of P<0.05.

#### Results

According to the results in Table 4, the pre-test results showed no significant difference in the ABCA5 gene expression between the groups (P=0.457). The expression of ABCA5 gene from pre-test to post-test phases increased significantly in the combined group (P=0.001) and showed an insignificant in the control group (P=0.60). A significant difference was observed between the two groups (P=0.001) (Figure 1).

### **Discussion**

The results of this study showed that eight weeks of combined exercises increased the expression of ABCA5 gene in patients with CABG surgery. There are few studies that have examined the effects of combined exercises on the level or expression of ABCA5 gene in patients with

CABG surgery. Our results are consistent with the results of Ray et al. [9] and Fu et al. [3]. No disagreement between our results and the results of other studies was found.

The ABC proteins, which are a superfamily of membrane proteins and use ATP energy to transport various substances across membranes, play a prominent role in the mechanism of RCT [11]. ABCs are divided into separate A-G categories. All of them except G2 play an important role in the RCT process. One of the ABC subfamilies is the ABCA complex, which is responsible for removing cholesterol from cells [13]. One of the members of this complex is ABCA5 which plays an important role in RCT and is expressed in cardiomyocytes, oligodendrocytes, astrocytes, and Leydig cells [9]. Moreover, ABCA5 is found on endosomes and lysosomes, the Golgi apparatus, and plasma membranes. Studies have indicated that the lack of ABCA5 impairs lysosomal function in the heart, decreases HDL level, and increases cholesterol flow to ApoA-1. Decreased ABCA5 level is associated with increased neurodegenerative diseases such as Alzheimer and Parkinson [14]. According to a study, mice with ABCA5 knockout suffered from cardiopathy and lysozyme problems after 10 weeks [14]. Studies have indicated that ABCA5 is associated with ABCA1 in lowering cholesterol, and mice with low ABCA5 level suffered from atherosclerosis and hyperlipidemia [15]. ABCA5 stimulates the peroxisome proliferator-activated receptors PPARy and PPARa to reduce the cholesterol level and lipoly-

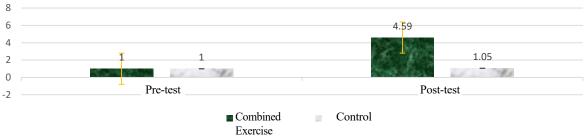
**Table 4.** Between-group and within-group comparison of the study variable

Variables	Independent t-test	Levene's Test for Equality of Variances	Dependent t-test	Pretest Results P	
	Т				
ABCG5 gene expression	Significance	F=12.903	T=13. 687		
	Control 0.540	P=0.001*	P=0.001*	0.457	
	Combined 10/16 0.001*				

<sup>\*</sup> Significance at P<0.05

Internal Medicine Today

### Gene Expression Changes



**Figure 1.** Changes in the ABCG5 gene expression before and after intervention \* Significance= P<0.05

Internal Medicine Today

sis. In fact, the increase in cholesterol level by 100 µM increases the expression of ABCA1 and ABCA5, and when the cholesterol level increases by 150 μM, the ABCA1 level decreases; however, the ABCA5 level continues to increase [9, 15]. ABCA1 has been specified as the major regulator of RCT, but when ABCA1 is blocked due to high cholesterol, ABCA5 is considered as the main regulator of RCT. This cholesterol excretion by ABCA5 is done by facilitating the diffusion. It has also been suggested that the cholesterol transport to HDL is mediated by ABCA5 [9]. On the other hand, increasing endothelial cell apoptosis is very evident in patients with atherosclerosis and CABG surgery [15]. Libby et al. reported that the increase in ABCA5 level reduced apoptosis in endothelial cells; this reduction plays a vital role in the viability of these cells [16]. According to a study, increased ABCA5 level is associated with decreased apoptotic factors (such as Bax and BCL), and increased LDL [18]. Increasing level of ABCA5 is very effective for CABG patients since it lowers cholesterol, increases HDL, reduces apoptosis, and stimulates lipolysis by activating PPARa and PPARy. Probably, the reason for the increase in ABCA5 gene expression following combined exercises in the present study is the increase in peroxisome proliferator-activating receptors that play an important role in regulating the expression of genes involved in RCT [19, 20]. Moreover, ABCA5 has been introduced as an inhibitor of atherosclerosis that can increase LXR expression. Due to the fact that transcription of some genes in the ABC family (including ABCA5 involved in RCT) is regulated by heterodimer system named LXR/Retinoid X Receptor (RXR) [21-23], it is possible that the expression of the ABCA5 gene can be increased by regulating these receptors following combined exercise. As a result, PPARa seems to activate LXR and positively regulate transporters of ABC family, including ABCA5 by the LXR.

The results of this study confirmed the increase of ABCA5 gene expression in patients with CABG. The increase in the levels of peroxisomes family was one of

the reasons for increasing expression of the ABCA5 gene. Lack of peroxisomes' level measurement, individual differences, and the differences in diet and motivation of patients were the limitations of the present study; therefore, it is recommended to design exercises protocols for this group of patients by considering these factors.

### Conclusionon

Eight weeks of combined exercise program (aerobic and resistance exercises) can improve the RCT status by increasing the expression of ABCA5 gene in middle-aged men after CABG surgery.

### **Ethical Considerations**

### Compliance with ethical guidelines

This study has an ethical approval obtained from the ethics committee of Islamic Azad University of Neishabour branch (Code: IR.IAU.NEYSHABUR.REC.1400.001). All study methods were explained to the participants, and they were assured of the confidentiality of their information.

### **Funding**

This study was extracted from the PhD thesis of first author. It received support from Javad Al-Aemeh Cardiovascular Hospital in Mashhad and Islamic Azad University of Neishabour branch.

### **Authors' contributions**

Writing the initial draft: Mahboubeh Sazgar; Review and final approval; Amir Rashidlamir; Data analysis; Rambod Khajehi; Discussion and conclusion; Ameneh Barjasteh Yazdi.

### **Conflicts of interest**

The authors state that there is no conflict of interest in this article.



# مقاله يژوهشي

تأثیر یک دوره تمرین ترکیبی بر بیان ژن ABCA5 گلبولهای سفید خون در مردان میانسال پس از عمل بای پس قلبی

محبوبه سازگار ۱ 🐽 \*امیررشید لمیر ۲ 👵 رامبد خواجهای ۱ 👵 آمنه برجسته یزدی ۱ 🔞

۱. گروه فیزیولوژی ورزشی، دانشکده تربیت بدنی، واحد نیشابور، دانشگاه آزاد اسلامی، نیشابور، ایران.

۲. گروه فیزیولوژی ورزشی، دانشکده علوم ورزشی، دانشگاه فردوسی مشهد، مشهد، ایران.

تاریخ دریافت: ۲۳ فروردین ۱۴۰۰ تاریخ پذیرش: ۱۹ خرداد ۱۴۰۰ تاریخ انتشار: ۱۱ دی ۱۴۰۰



هداف بیماریهای قلبیعروقی، یکی از بیماریهای در حال گسترش و یکی از دلایل مرگومیر در جهان شناخته شدهاند که باید برای درمان آن چارهای اندیشید. از این رو هدف از مطالعه حاضر، بررسی تأثیر یک دوره تمرینات ترکیبی بر بیان ژن ABCA5 در مردان میانسال پس از بای پس عروق کرونری بود.

مواد و روشها در مطالعه نیمه تجربی حاضر، ۲۰ مرد میانسال، پس از عمل بای پس عروق کرونری شرکت کردند و به طور تصادفی به دو گروه تمرین ترکیبی و کنترل تقسیم شدند. برنامه تمرینات ترکیبی شامل تمرینات مقاومتیهوازی به مدت هشت هفته (سه جلسه در هفته) اجرا شد. در این مدت گروه کنترل هیچ گونه فعالیتی نداشتند. نمونههای خونی و اندازه گیریهای آنتروپومتریک قبل و ۴۸ ساعت پس از اتمام پروتکل پژوهشی به صورت ۲۰۱۰ ساعت حالت ناشتایی، طی دو مرحله خون گیری از گروههای پژوهشی انجام شد. از آزمون آماری تی وابسته جهت بررسی تغییرات برون گروهی و آزمون تی مستقل جهت بررسی تغییرات برون گروهی استفاده شد. مقادیر به وسیله نرمافزار SPSS نسخه ۲۱ با سطح معناداری کوچک تر از ۲۰۵۵ تجزیه و تحلیل شد.

یافتهها نتایج پیشآزمون نشان داد که تفاوتی بین گروهها وجود نداشت، اما نتایج تحقیق نشان داد که پس از هشت هفته تمرینات ترکیبی در گروه آزمایش، بیان ژن ABCA5 افزایش معناداری نسبت به قبل از تمرین داشت (P=٠/٠٠١). همچنین بین گروه آزمایش و کنترل تفاوت معناداری مشاهده شد (P=٠/٠٠١).

نتیجه گیری بر اساس نتایج، این گونه به نظر می رسد که تمرینات ترکیبی به عنوان یک عامل محرک جهت کاهش سطوح کلسترول به واسطه افزایش بیان ژن ABCA5، به افزایش فاکتورهای مرتبط با سلامت سلولهای اندوتلیال منجر می شود که می تواند به عنوان یک برنامه تمرینی مناسب برای بهبود وضعیت فیزیولوژیک در بیماران بای پس عروق کرونری استفاده شود.

# كليدواژهها:

تمرینات ترکیبی، بیان ژن ABCA5، عمل بایپس عروق کرونری

# مقدمه

امروزه با افزایش شیوه زندگی ماشینی و کاهش تحرک، شاهد افزایش برخی بیماریها، مانند بیماریهای قلبیعروقی هستیم که با بی تحرکی و تغذیه نامناسب، مانند افزایش استفاده ازمنابع غذایی بی کیفیت و ناسالم ارتباط مستقیم دارد. در این میان بیماریهای قلبیعروقی روزبهروز رو به افزایش است. عمده بیماریهای قلبیعروقی شامل آترواسکلروزیس یا عوارض جانبی آن است [۱].

آترواسکلروزیس یک بیماری التهاب کرونری دیواره عروق است و زمانی رخ میدهد که به دلیل عدم توانایی برای خارج

کردن، کلسترول اضافی در سلولهای فوم ماکروفاژ تجمع مییابد. سلولهای فوم ماکروفاژ سلولهای متورمی در دیواره عروق هستند که عمدتاً از ماکروفاژهای غنی از لیپوپروتئین با چگالی کم ۱ تشکیل شدهاند و عامل فیزیکی انسداد عروقی هستند.

علی رغم مفید بودن کلسترول برای تداوم تعدادی از فرایندهای حیاتی سلول، ازدیاد آن می تواند عملکرد سلول را به مخاطره اندازد. هنگامی که سطح کلسترول سلول نسبت به فسفولیپیدهای موجود در غشا فراتر رود یا اینکه کلسترول به کلسترول استر

- 1. Low-Density Lipoprotein (LDL)
- 2. Cholesterol Ester

\* نویسنده مسئول:

دكتر اميررشيد لمير

نشانی: مشهد، دانشگاه فردوسی مشهد، دانشکده علوم ورزشی، گروه فیزیولوژی ورزشی. تلفن: ۳۸۸۰۳۵۰ (۵۱) ۹۸+

رایانامه: amir.rashidlamir@gmail.com



تبدیل شود، کلسترول اضافی داخل سلول حالت سمیت<sup>۳</sup> ایجاد می کند و سبب تخریب سلولهای اندوتلیال می شود [۲].

ازطرفی انتقال معکوس کلسترول، یک فرایند ضد آترواسکلروزیس است و به جمع آوری کلسترول اضافی از بافتهای پیرامونی، از جمله ماکروفاژهای دیواره سرخرگی و بازگرداندن آنها به کبد همراه با شکل گیری لیپوپروتئین با چگالی بالا آگفته می شود [۲]. یکی از اجزای مهم انتقال معکوس کلسترول  $^{0}$ ، تنظیم ژنهای خانواده گیرنده پروتئینی آدنوزین تری فسفات  $^{2}$  توسط گیرنده  $^{2}$  کبدی است.  $^{2}$  شناخته شده است.  $^{3}$  ABC

بر طبق سیستم اصطلاحات ژن آنزیم سیتوکروم P450 ، تمام ژنهای PABCA به هفت زیرمجموعه تقسیم شده که PABCA به نامیده میشوند. در بیماریهای عروقی، مانند آترواسکلروزیس، عواملی چون پروتئینهای انتقال دهنده غشایی (ABCs) ATP به علت دخالت در هموستاز کلسترول، تنظیم فشار خون، عملکرد اندوتلیال، التهاب عروقی و تولید و تجمع پلاکت نقش مهمی را بازی می کنند.

از جمله ABCها که به طور مستقیم یا غیرمستقیم بر خروج کلسترول سلولی، پاسخ التهابی در ماکروفاژها، تکثیر مگاکاریوسیتها و تشکیل ترومبوز مؤثرند ABCC9، ABCC6، ABCG1، هستند که ممکن است بر عملکرد عروقی و فشار خون مؤثر بوده و در بیماریهای قلبیعروقی و عوارض آن نقش ایفا کنند.

مطالعات نشان دادهاند که فعالیت بدنی می تواند به افزایش بیان بعضی از خانوده ژنهای ABC مانند ABCG5، ABCA1، ABCG5/8 منجر شود [۴-۸] منجر شود [۴-۸] که درنتیجه سبب بهبود برخی مراحل کلیدی در فرایند انتقال معکوس کلسترول، مانند افزایش و ترکیب لیپوپروتئین با چگالی بالا و افزایش خروج کلسترول از سلول می شود. بنابراین تمرین جزء اصلی توان بخشی قلبی است و عوارض جانبی قلبی عروقی و مرگومیر ناشی از بیماری های قلبی عروقی را کاهش می دهد.

ری و همکاران گزارش کردند که افزایش بیان ژن ABCA5 در بیماران دیس لیپیدمی سبب کاهش سطوح کلسترول شد [۹]. یه و همکاران نیز گزارش کردند که حذف کردن ABCA5 با افزایش سطوح لیپوپروتئین با چگالی کم همراه است [۱۰]. هرچند مطالعات گزارش کردند که ABCA5 در خروج چربی از

سلول دخالت دارد، اما نقش آن به عنوان انتقال دهنده، در بیماری آترواسکلروزیس در پرده ابهام است [۹]. نقش ABCA5 در بیماریهای وابسته به کلسترول، مانند بیماریهای قلبی عروقی به مطالعات بسیاری نیاز دارد و همچنین مطالعات اندکی روی مرحله بازتوانی بیماران قلبی عروقی و اثرات تمرینات ترکیبی بر تظاهر ژن ABCA5 انجام شده است. پژوهش حاضر در نظر دارد به این سؤال پاسخ دهد که آیا هشت هفته تمرین ترکیبی بر بیان ژن ABCA5 گلبولهای سفید خون در مردان میانسال پس از عمل بای پس قلبی تأثیر دارد؟

# مواد و روشها

روش پژوهش حاضر، نیمه تجربی و با طرح پیش آزمون پس آزمون است. جامعه آماری این پژوهش همه بیماران بیمارستان تخصصی قلب و عروق جوادالائمه مشهد با (محدوده سنی ۵۰-۶۵ سال) بودند. نمونه آماری از میان جامعه آماری و با توجه به شرایط ورود به تحقیق به صورت داوطلبانه انتخاب شدند. حجم نمونه با توجه به مطالعات قبلی و میزان در دسترس بودن بیمار انتخاب شد.

بدین طریق ۲۶ نفر از مردان که تحت عمل جراحی بای پس عروق قرار گرفته بودند با شیوه نمونهگیری دردسترس انتخاب شده و با توجه به معیارهای ورود به پژوهش (سلامت فرد از لحاظ شناختی، بینایی و شنوایی، نداشتن فشار خون بیشتر از ۱۶۰ میلی متر جیوه، عدم استفاده از داروها، عدم استفاده از وسایل کمکی نظیر واکر) به طور تصادفی به دو گروه آزمایش و کنترل تقسیم شدند.

معیارهای خروج از پژوهش شامل غیبت بیش از سه جلسه متوالی و چهار جلسه غیرمتناوب، عدم تمایل به ادامه شرکت در پژوهش، بروز آسیب یا علائم بالینی، شرکت در فعالیتهای ورزشی دیگر به صورت همزمان و تشخیص پزشک متخصص برای ادامه شرکت در پژوهش بود.

متغیرهای آنتروپومتریک شامل سن (سال)، قد (سانتیمتر) توسط دستگاه SEKA دیجیتالی ساخت آلمان با دقت ۱/۰ کیلوگرم، درصد چربی بدن و شاخص توده بدنی (کیلوگرم بر مترمربع) توسط دستگاه دیجیتالی (720 Inbody 720 ساخت کره جنوبی)، ضربان قلب (ضربان در دقیقه) توسط دستگاه ضربان سنج پولار مدل F1tm ساخت کشور فنلاند، فشار خون استراحتی (میلیمتر جیوه) با دستگاه فشارسنج عقربهای ALPK-2 مدل حمدل عربین زمانهای تمرین آزمودنیها توسط زمانسنج دیجیتال با دقت ۱۰/۰ ثانیه اندازه گیری شد (جدول شماره ۱).

قبل از شروع تمرینات ترکیبی،از شرکت کنندگان در ابتدای کار و پس از ۱۰-۱۲ ساعت ناشتایی بین ساعت هشت تا نّه صبح به میزان پنج سیسی از سیاهرگ بازویی نمونه گیری خونی به عمل

<sup>3.</sup> Toxicity Mode

<sup>4.</sup> High-Density Lipoprotein (HDL)

<sup>5.</sup> Reverse Cholestrol Transport (RCT)

<sup>6.</sup> ATP Binding Cassette (ABCs)

<sup>7.</sup> Liver X Receptor (LXR)

<sup>8.</sup> Cytochrome P450 (CYP)



آمد و در لولههای آزمایشی با ماده ضدانعقاد EDTA جمعآوری شد. جداسازی لنفوسیتها در این مرحله انجام شد. برای بررسی بیان ژن ABCA5 از روش Real-Time-PCR استفاده شد.

سپس آزمودنیها به مدت هشت هفته در برنامههای تمرینات ترکیبی شرکت کردند. پس از هشت هفته نیز از آزمودنیها در حالت ناشتا خونگیری به عمل آمد و میزان تغییرات مجددا ارزیابی شد. زمان خونگیری در مرحله پیشآزمون، ۲۴ ساعت قبل از شروع اولین جلسه تمرین و در مرحله پیشآزمون ۴۸ ساعت پس از پایان آخرین جلسه تمرین (جهت پیشگیری از اثر حاد تمرین بر متغیرهای تحقیق) بود.

در این پژوهش بیماران تمرینات ترکیبی (هوازی و مقاومتی) را به طور همزمان در محل بیمارستان جوادالاثمه بخش بازتوانی، انجام دادند. بیماران در یک دوره ۲۴جلسهای، تمرینات ورزشی را به صورت سه روز در هفته و در هر جلسه بازتوانی قلبی را با توجه به ارزیابیها (وضعیت قلبی ـ ریوی، تست تحمل ورزش و…) به مدت یک الی یک ساعت و نیم انجام دادند. در هر جلسه درمانی، برای گرم کردن در ابتدا و سرد کردن تدریجی در انتهای برنامه ورزشی از تمرینات کششی استفاده شد. در جدول شماره برنامه ورزش فردی آزمودنیها آمده است.

برنامه تمرینی عبارت بود از راه رفتن روی تردمیل (بیست تا سی دقیقه)، رکاب زدن دوچرخه ثابت (ده تا دوازده دقیقه) و استفاده از ارگومتر دستی (ده دقیقه). همه افراد این گروه تمرینات مذکور را طی هر جلسه بازتوانی انجام دادند. شدت و مدتزمان تمرینات بهتدریج و بر اساس توانایی افراد و اصول تمرین افزایش یافت. به نحوی که در هفت الی ده جلسه آخر به ۸ درصد حداکثر ضربان قلب بیماران رسید. ضربان قلب، قبل و بعد از تمرینات هوازی و یکباردر زمان سرد کردن با استفاده از ضربان سنج پولار اندازه گیری و از طریق فرمول کارونن ۱۰ محاسبه شد (فرمول شماره ۱)

۱. ضربان قلب استراحت+[(۵۵ ،۷۵ درصد)>(ضربان قلب استراحت ضربان قلب بیشینه)]خربان قلب ذخیره

میزان اضافه بار تمرین: هر هفته با افزایش شدت تمرین، تقریباً به میزان پنج درصد به ضربان قلب هدف افزوده شد. تمرین و برنامه تمرینیمقاومتی موردنظر مشخص شده برای آنها با هشت تکرار در جلسات اولیه و افزایش تعداد تکرار حرکات تا پانزده تکرار در جلسات بعدی در سه ست انجام شد که حرکات شامل اسکات با توپ فیزیوبال، فلکشن شانه ۱٬۱ فلکشن هیپ ۱٬۲ آبداکشن

شانه ۱۳ آبداکشن هیپ ۱۴ فلکشن آرنج ۱۵ پلانتار فلکشن مچ پا ۱۶ و دورسی فلکشن مچ ۱۷ بود.

حرکات در ابتدا با هشت تکرار با استفاده از تراباند ضعیف (زردرنگ) انجام شد. سپس در هر جلسه به هر حرکت، دو تکرار افزوده شد تا تعداد تکرارهای هر حرکت به پانزده تکرار برسد. سپس قدرت تراباند (صورتیرنگ) افزایش یافت و به همین خاطر مجدداً حرکات در ابتدا با هشت تکرار و بهمرور تا پانزده تکرار در جلسات بعدی افزایش یافت.

برای انجام تمرینات هوازی و مقاومتی ترتیب خاصی وجود نداشت و بیماران در فاصله زمانی بین تمرینات هوازی، تمرینات مقاومتی انجام میدادند یا اینکه به طور مجزا بعد از تمرینات هوازی، تمرینات مقاومتی انجام دادند. در انتهای هر جلسه، تمرین سرد کردن با حرکات کششی و حرکات آرامسازی به مدت پنج تا ده دقیقه انجام شد. نوسانات ضربان قلب بیمار در تمام مراحل تمرین توسط سیستم مانیتورینگ، محقق و متخصص قلب کنترل میشد. میزان فشار خون بعد از استفاده از هر دستگاه توسط پرستاران بازتوانی اندازه گیری و ثبت می شد. گروه کنترل شامل برستارای بود که در دوره تمرینات ترکیبی پس از عمل جراحی شرکت نکردند و هیچگونه فعالیت منظم فیزیکی نداشتند.

# اندازه گیری بیان ژن

برای تخلیص mRNA، سلولهای PBMC در نیتروژن مایع قرار داده شدند و به صورت کامل توسط mortal&pestle خرد شدند. برای به دست آوردن mRNA، بافت تخریبشده در بافر RLT هموژنیزه شد و سپس پودر بافت و نیتروژن مایع در تیوب میکروسانتریفیوژ RNase free دو میلیلیتر ریخته و اجازه داده شد تا نیتروژن مایع تبخیر شود. ولی لنفوسیتها از حالت یخزدگی خارج نشود. به میزان کافی بافر RLT اضافه شد. -Ly مستقیماً به ستون QIAshredder که در تیوب قرار داشت، منتقل شد و به مدت دو دقیقه و با سرعت بالا سانتریفیوژ شد. برای سنتز CDNA، دویست نانوگرم mRNA با استفاده از پرایمر برای و کیت مخصوص ارزیابی شد.

برای بررسی بیان ژن از روش Real-Time-PCR استفاده شد. در انتها، پس از به دست آمدن نتایج با استفاده از دستگاه یووی تک و به دست آوردن مقادیر بتااکتین برای هر نمونه، عددهای بهدستآمده، بر مقادیر بتااکتین برای هریک، تقسیم و حاصل در صد ضرب شد تا مقادیر mRNA مربوط به بیان ژن برای هر نمونه بر اساس درصد به دست آید (جدول شماره ۲).

- 13. Shoulder Abduction
- 14. Hip Abduction
- 15. Elbow Flection
- 16. Ankel Plantal
- 17. Ankel Dorsi Flection

- 9. Real Time Polymerase Chain Reaction
- 10. Karunen
- 11. Shoulder Flection
- 12. Hip Flection



# جدول ۱. مشخصات فردی آزمودنیها

،معيار	( 11 )			
شاخص توده بدن (کیلوگرم/مترمربع <sup>۲</sup> )	وزن (کیلوگرم)	قد (سانتیمتر)	سن (سال)	<b>گ</b> روهها
7/77±1/77	VS/15±0/77	\/YY±+/+Y	۵N+A±8/8+	كنترل
70±7/77	<b>Y</b> f/\\#±۶/ <del>\</del> ff	\/YY±+/+٣	۵۵/۵۷±۳/۶۱	تركيبى

طب داخلی روز

واکنش زنجیرهای پلیمراز با دستگاه BIO RAD و در پلیتهای ۹۶چاهکی انجام شد. برنامه زمانی گرمایی مراحل PCR در جدول شماره ۳ آمده است. جهت سنجش تعداد کپیهای ژن هدف و مرجع از روش Pfaffle استفاده شد.

به دلیل استفاده از مدل خون گیری در پژوهش حاضر، ابتدا به تمام آزمودنیها توضیحات کامل اخلاقی داده شد. همچنین به آنها اطمینان خاطر داده شد که اطلاعات شخصی آنها محفوظ میماند.

# تحليل أماري

جهت نشان دادن میانگین و انحراف معیار از آمار توصیفی استفاده شد. نرمال بودن دادهها با استفاده از آزمون شاپیرو ویلک بررسی شد. پس از حصول اطمینان برای استفاده از آزمونهای پارامتریک تی همبسته و تی وابسته از نرمافزار SPSS نسخه ۲۱ در سطح معناداری P≤۰/۰۵ برای تجزیه و تحلیل دادهها استفاده شد.

# يافتهها

با توجه به نتایج جدول شماره ۴ نتایج پیش آزمون نشان داد که بین گروهها تفاوت معناداری وجود ندارد و احتمالاً تفاوتهای مشاهده شده در پس آزمون در نتیجه تأثیر متغیر مستقل است (۹۳-۲۰۴۵). نتایج نشان داد بیان ژن ABCA5 از مرحله پیش آزمون تامرحله پس آزمون در گروه ترکیبی افزایش معناداری داشت داشت (۹۳-۲۰۰۱) و در گروه کنترل افزایش غیرمعناداری داشت (۹۳-۲/۶۰). همچنین بین دو گروه تفاوت معناداری مشاهده شد (۹۳-۲/۶۰) (تصویر شماره ۱).

### ىحث

نتایج پژوهش حاضر نشان داد که هشت هفته تمرینات ترکیبی سبب افزایش بیان ژن ABCA5 در بیماران بای پس عروق کرونری شد. پژوهشهای اندکی وجود دارد که به بررسی اثرات تمرینات ترکیبی بر سطوح یا بیان ژن ABCA5 در بیماران بای پس عروق کرونری به طور اختصاصی پرداخته است، اما نتایج پژوهش حاضر با نتایج برخی پژوهشها، مانندری و همکاران [۹] و فو و همکاران [۳] همسو بود، اما نتایج ناهمسویی یافت نشد.

پروتئینهای ناقل جعبهای وصلشده به ATP (پروتئینهای ABC) که یک اَبرخانواده از پروتئینهای غشایی هستند و از AAC) برای انتقال مواد مختلف در طول غشا استفاده می کنند، نقش برجستهای در سازوکار انتقال معکوس کلسترول دارند [۱۱].

G-A بر حسب توالی به دستههای جداگانه G-A تقسیمبندی میشوند. همه آنها بهجز G2 نقش مهمی در فرایند انتقال معکوس کلسترول ایفا می کنند. همچنین یکی از زیرخانوادههای ABC، مجموعه ABCA است که مسئول خارج کردن کلسترول از سلولهاست [۱۲-۱۳]. یکی از این زیرخانوادهها، ABCA5 است که در RCT نقش مهمی دارد و در سلولهای کاردیوسیتها ۱۵ بیان می شود [۹].

جدول ۲. توالی الیگونوکلئوتیدی پرایمرها

نام ژن	نوع	توالى پرايموها			
ABCA5	رفت	F. ACCCAAAGCAAGGAACGGGAA			
Abons	برگشت	R. CAGCGTTCAGCATGCCTGTGT			



<sup>18.</sup> Cardiomyocytes

Oligodendrocytes

<sup>20.</sup> Astrocytes

<sup>21.</sup> Leydig Cells



جدول ۳. برنامه زمانی گرمایی Real-Time PCR

دما	زمان	كامهها
۹۵ درجه سانت <i>ی گر</i> اد	۵ دقیقه	مرحله فعاليت أغازى PCR
	چرخههای گامه دوم	
۹۵ درجه سانت <i>ی گر</i> اد	۱۰ ثانیه	واسرشت
۶۰ درجه سانت <i>ی گر</i> اد	۳۰ ثانیه	۴۵ چرخه / ترکیب اتصال و طویل شدن
۵۵ تا ۹۵ درجه سانتیگراد	8/2 دقیقه	منحنى ذوب

طب داخلی روز

همچنین ABCA5 روی اندوزومها و لیزوزومها، دستگاه گلژی و غشای پلاسما قرار دارد. پژوهشها نشان دادند که حذف ABCA5 سبب تخریب عملکرد لیزوزمی در قلب، کاهش سطوح HDL و افزایش جریان کلسترول به ApoA-1میشود. همچنین کاهش سطوح ABCA5 با افزایش بیماری نوروپاتی مانند آلزایمر و پارکینسون همراه است [۱۴].

در پژوهشی نشان داده شد در موشهایی که ABCA5 حذف<sup>۲۲</sup> شده بود، بعد از ده هفته بیماری کاردیوپاتی و مشکلات لیزوزمی ایجاد شد [۱۵]. همچنین پژوهشها نشان دادند که ABCA5 در کاهش کلسترول با ABCA1 همکار هستند و موشهایی که در سطوح ABCA5 کاهش داشتند، دچار آترواسکلروزیس و

19. Knockout

همچنان افزایش نشان می دهد [۹، ۱۵].
ABCA1 به عنوان اصلی ترین تنظیم کننده RCT مشخص شده، اما در مواقعی که سطوح ABCA1 بر اثر افزایش زیاد کلسترول بلاک می شود، ABCA5 به عنوان تنظیم کننده اصلی خروج کلسترول بیان می شود. این خروج کلسترول توسط

ABCA5 به واسطه افزایش انتشار دیفوزیون تسهیل شده انجام

می گیرد. همچنین پیشنهاد می شود که انتقال کلسترول به HDL

هايپرليپدمي شده بودند. ABCA5 با تحريک PPARy و PPARa

سبب کاهش سطوح کلسترول و لیپولیز می شود. درواقع افزایش

سطوح كلسترول (صد ميكرومولار) سبب افزايش بيان ABCA1

و ABCA5 میشود و هنگامی که سطوح کلسترول بالاتر میرود

(۱۵۰ میکرومولار)، سطوح ABCA1 کاهش می یابد، اما ABCA5

جدول ۴. تغییرات قبل و بعد متغیر پژوهشی درونگروهی و مقایسه بینگروهی

نتايج پيش ازمون	آزمون تی مستقل نتا			آزمون لون برای برابری واریانسها		آزمون تی همبسته		متغير
معناداري	معناداري	مقدار تی	مقدار P	مقدار F	معناداري	مقدار تی	. گروه	<b>)</b> #
+/ <b>۴</b> ۵Y					+/۶+	٠/۵۴٠	كنترل	بیان ژن ABCA5
	**/**1	\Y/ <del>S</del> AY	* •/••\	17/9.4	* •/••\	18/10	تركيبي	

معناداری=P≤٠/٠۵



گروه کنترل 🏾 گروه تمرین ترکیبی 🗖

تصویر ۱. تغییرات قبل و بعد از آزمایش پژوهشی معناداری P≤۰/۰۵

طب داخلی روز



توسط ABCA5 انجام شود [٩].

از طرف دیگر افزایش آپوپتوز سلولهای اندوتلیال در بیماران آترواسکلروزیس و بای پس عروق کرونری بسیار مشهود است [۱۶]. لیبی و همکاران گزارش کردند که افزایش سطوح ABCA5 سبب کاهش آپوپتوز در سلولهای اندوتلیال میشود که این کاهش، در زنده بودن این سلولها نقش حیاتی دارد [۱۰]. همچنین در پژوهشی بیان شد که افزایش سطوح ABCA5 با کاهش فاکتورهای آپوپتوزی مانند Bax ،Bcl و افزایش LDL همراه است [۱۷-۱۸].

بررسی نتایج تحقیقات نشان میدهد که افزایش سطوح ABCA5 به واسطه کاهش کلسترول، افزایش HDL، کاهش آپوپتوز و تحریک محرکهای لیپولیزی مانند PPARa و PPARa برای بیماران CABG بسیار تأثیرگذار است. احتمالاً دلیل افزایش بیان ژن ABCA5 متعاقب انجام تمرینات ترکیبی در پژوهش حاضر، افزایش گیرندههای فعال کننده پراکسیزوم است که نقش مهمی در تنظیم بیان ژنهای درگیر در انتقال کلسترول دارند [۱۹،۲۰].

همچنین ABCA5 یکی از عوامل کاهنده و بازدارنده آترواسکلروزیس معرفی شده است که می تواند بیان گیرنده X کبدی را افزایش دهد. همچنین رونویسی برخی ژنهای خانواده انتقال دهنده ABCA5 که در فرایند انتقال کلسترول نقش دارد، توسط سیستم هترودیمری به نام /LXR کلسترول نقش دارد، توسط سیستم هترودیمری به نام /RXR تنظیم می شود [۲۲-۲۲].

احتمالاً بیان ژن ABCA5می تواند به واسطه تنظیم این گیرنده ها متعاقب تمرینات ترکیبی افزایش یابد. درنتیجه به نظر میرسد PPARa با فعال سازی LXL، باعث تنظیم مثبت انتقال دهنده های خانواده ABCA، از جمله ABCA5 توسط گیرنده X کبدی می شود. نتایج پژوهش حاضر نیز افزایش بیان ژن ABCA5 را در بیماران CABG تأیید کرد.

# نتيجهگيري

بر اساس نتایج پژوهش حاضر، می توان بیان کرد هشت هفته تمرینات ترکیبی (مقاومتی هوازی) باعث بهبود وضعیت انتقال معکوس کلسترول به وسیله افزایش بیان ژن ABCA5 در مردان میانسال پس از انجام عمل عروق کرونری شده است. احتمالاً این تمرینات با افزایش بیان این ژن نقش مهمی در بهبود وضعیت فیزیولوژیکی آنها دارد. یکی از دلایل افزایش بیان ژن ABCA5، افزایش سطوح خانواده پراکسیزومهاست.

از محدودیتهای پژوهش حاضر، می توان به عدم اندازه گیری سطوح خانواده پراکسیزومها، تفاوتهای فردی، رژیم غذایی و انگیزه آزمودنیها اشاره کرد. بنابراین به متخصصین و مربیان توصیه می شود که ضمن مد نظر قرار دادن این موارد، این

یروتکلهای تمرینی را برای این دسته از افراد طراحی کنند.

# ملاحظات اخلاقي

# پیروی از اصول اخلاق پژوهش

این پژوهش با کد اخلاق IR.IAU.NEYSHABUR. این پژوهش با کد اخلاق دانشگاه آزاد واحد نیشابور و REC.1400.001 برگرفته از رساله دکتری محبوبه سازگار انجام شده است.

# حامی مالی

این پژوهش با حمایت بیمارستان تخصصی قلب جوادالائمه مشهد و دانشگاه آزاد اسلامی واحد نیشابور انجام شده است.

# مشاركت نويسندگان

نوشتن نسخه اولیه و ایده اصلی: محبوبه سازگار؛ تأیید و بررسی نهایی: امیررشید لمیر؛ روش آماری و پژوهشگر کمکی: رامبد خواجهای؛ بحث و نتیجه گیری: آمنه برجسته یزدی.

# تعارض منافع

بنابر اظهار نویسندگان این مقاله تعارض منافع ندارد.

#### References

- [1] Khajei R, Haghighi AH, Hamedinia MR, Lamir AR. [Effects of eight week aerobic training on monocytes ABCG5 gene expression in middle-aged men after heart bypass surgery (Persian)]. Journal of Sabzevar University of Medical Sciences. 2017; 24(1):79-88. http://eprints.medsab. ac.ir/111/
- [2] Hamidi A, Rashidlamir A, Khajei R, Zarei M, Zendedel A. [The effect of aerobic-resistance training on plasma levels of bFGF in coronary artery disease after CABG (Persian)]. Journal of Arak University of Medical Sciences. 2020; 23(3):314-25. [DOI:10.32598/jams.23.3.6056.1]
- [3] Fu Y, Hsiao J-HT, Paxinos G, Halliday GM, Kim WS. ABCA5 regulates amyloid-β peptide production and is associated with Alzheimer's disease neuropathology. Journal of Alzheimer's Disease. 2015; 43(3):857-69. [DOI:10.3233/JAD-141320] [PMID]
- [4] Faizollahzadeh Mousavi R, Rashid Lamir A, Khajei R, Hejazi M. [The effect of combination exercises on ABCG1 gene expression in mononuclear cells in middle-aged men after coronary artery bypass grafting (Persian)]. Journal of Neyshabur University of Medical Sciences. 2019; 7(3):49-62. https://civilica.com/doc/1157572/
- [5] Jalali S, Jafari M. [Effects of High Intensity Interval (HIT) versus continuous trainings on ABCG5 and ABCG8 genes expression in male wistar rats after high fat diet (Persian)]. Research on Medicine. 2019; 43(4):216-21. https://pejouhesh.sbmu.ac.ir/article-1-1946-fa.pdf
- [6] Jafari M. [Effect of physical activity on prevention and treatment of atherosclerosis: Focus on activity of ABCG5 and ABCG8 genes (Persian)]. Journal of Gorgan University of Medical Sciences. 2019; 21(3):13-23. http://goums.ac.ir/journal/article-1-3338-fa.html
- [7] Bagheri R, Darroudi S, Hosseini SM, Nikkar H, Rashidlamir A. Effects of high-intensity resistance training and aerobic exercise on expression of ABCG4, ABCG5 and ABCG8 genes in female athletes. Medical Laboratory Journal. 2020; 14(3):40-5. [DOI:10.29252/mlj.14.3.40]
- [8] Hajighasemi A, Ravasi AA, Kordi M, Rashidlamir A, Ghorghi A. [Investigation of the effect of cardiac rehabilitation program on peripheral blood mononuclear cells ABCA1 gene expression in myocardial infractions patient (Persian)]. Journal of Knowledge & Health. 2017; 11(4):23-9. [DOI:10.22100/jkh.v11i4.1523]
- [9] Ray AG, Choudhury KR, Chakraborty S, Chakravarty D, Chander V, Jana B, et al. Novel Mechanism of Cholesterol Transport by ABCA5 in Macrophages and Its Role in Dyslipidemia. Journal of Molecular Biology. 2020; 432(17):4922-41. [DOI:10.1016/j.jmb.2020.07.006] [PMID]
- [10] Ye D, Meurs I, Ohigashi M, Calpe-Berdiel L, Habets KL, Zhao Y, et al. Macrophage ABCA5 deficiency influences cellular cholesterol efflux and increases susceptibility to atherosclerosis in female LDLr knockout mice. Biochemical and Biophysical Research Communications. 2010; 395(3):387-94. [DOI:10.1016/j.bbrc.2010.04.027] [PMID]
- [11] Ogasawara F, Kodan A, Ueda K. ABC proteins in evolution. FEBS Letters. 2020; 594(23):3876-81. [DOI:10.1002/1873-3468.13945] [PMID]
- [12] Zhang Z, Tong T, Fang Y, Zheng J, Zhang X, Niu C, et al. Genome-wide identification of barley ABC genes and their expression in response to abiotic stress treatment. Plants. 2020; 9(10):1281. [DOI:10.3390/ plants9101281] [PMID] [PMCID]
- [13] Petry F, Ritz V, Meineke C, Middel P, Kietzmann T, Schmitz-Salue C, et al. Subcellular localization of rat Abca5, a rat ATP-binding-cassette transporter expressed in Leydig cells, and characterization of its splice variant apparently encoding a half-transporter. Biochemical Journal. 2006; 393(Pt 1):79-87. [DOI:10.1042/BJ20050808] [PMID] [PMCID]

- [14] Kubo Y, Sekiya S, Ohigashi M, Takenaka C, Tamura K, Nada S, et al. ABCA5 resides in lysosomes, and ABCA5 knockout mice develop lysosomal disease-like symptoms. Molecular and Cellular Biology. 2005; 25(10):4138-49. [DOI:10.1128/MCB.25.10.4138-4149.2005] [PMID] [PMCID]
- [15] Tasdighi E, Hekmat M, Beheshti M, Baghaei R, Mirhosseini SM, Torbati P, et al. Vitamin D treatment attenuates heart apoptosis after coronary artery bypass surgery: A double-blind, randomized, placebo-controlled clinical trial. Journal of Cardiovascular Pharmacology and Therapeutics. 2020; 25(4):338-45. [DOI:10.1177/1074248420920495] [PMID]
- [16] Libby P, Ridker PM, Maseri A. Inflammation and atherosclerosis. Circulation. 2002; 105(9):1135-43. [DOI:10.1161/hc0902.104353] [PMID]
- [17] Du Z, Kuang S, Li Y, Han P, Liu J, Wang Z, et al. Family-based whole genome sequencing identified novel variants in ABCA5 gene in a patient with idiopathic ventricular tachycardia. Pediatric Cardiology. 2020; 41(8):1783-94. [DOI:10.1007/s00246-020-02446-4] [PMID]
- [18] Mak L. Role of ABCA5 in the Pathogenesis of Parkinson's disease [MSc. Thesis]. Australia: UNSW Sydney; 2013. http://unsworks.unsw.edu.au/fapi/datastream/unsworks:11761/SOURCE01?view=true
- [19] Edwards PA, Kennedy MA, Mak PA. LXRs; Oxysterol-activated nuclear receptors that regulate genes controlling lipid homeostasis. Vascular Pharmacology. 2002; 38(4):249-56. [DOI:10.1016/S1537-1891(02)00175-1]
- [20] Ueda K. ABC proteins protect the human body and maintain optimal health. Bioscience, Biotechnology, and Biochemistry. 2011; 75(3):401-9. [DOI:10.1271/bbb.100816] [PMID]
- [21] Kellner-Weibel G, de la Llera-Moya M. Update on HDL receptors and cellular cholesterol transport. Current Atherosclerosis Reports. 2011; 13(3):233-41. [DOI:10.1007/s11883-011-0169-0] [PMID]
- [22] Pačarić S, Turk T, Erić I, Orkić Ž, Petek Erić A, Milostić-Srb A, et al. Assessment of the quality of life in patients before and after coronary artery bypass grafting (CABG): A prospective study. International Journal of Environmental Research and Public Health. 2020; 17(4):1417. [DOI:10.3390/ijerph17041417] [PMID] [PMCID]